



Grippe aviaire : Situation épidémiologique et risque pour la santé humaine

Retex SAGA 2025-26

Sibylle BERNARD-STOECKLIN
Equipe grippe zoonotique de Santé publique France

29/06/2026

Détection de virus influenza aviaires zoonotiques dans le monde

Emergence fin 2020 de H5N1 HP clade 2.3.4.4b ► panzootie sans précédent dans l'avifaune sauvage et domestique



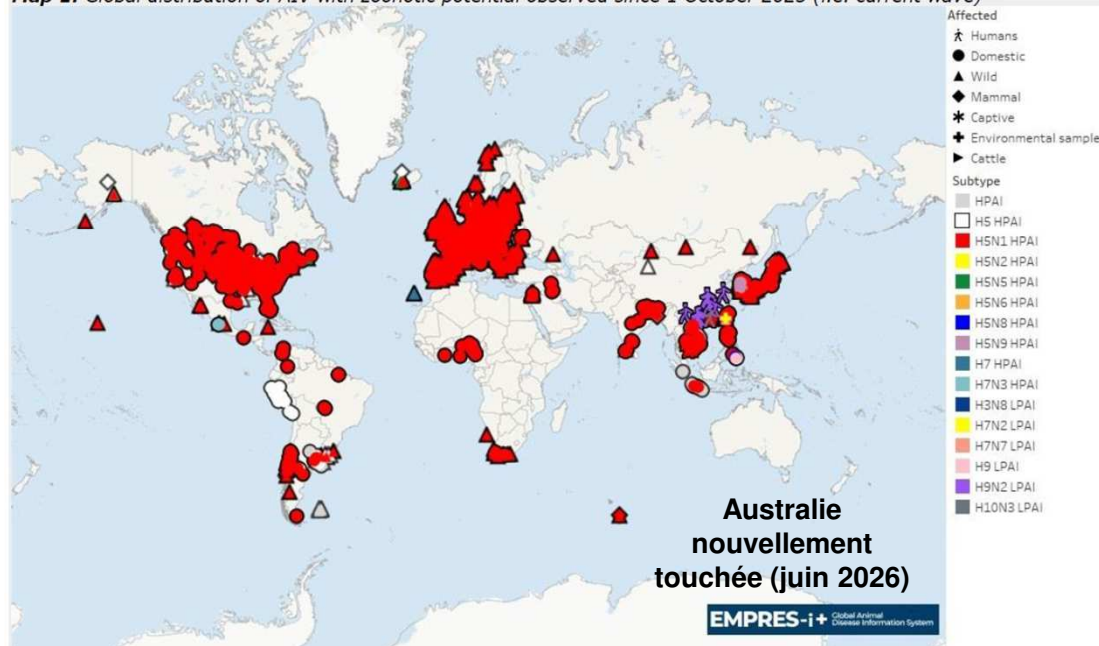
Food and Agriculture
Organization of the
United Nations

Global AIV with Zoonotic
Potential situation update
FAO EMPRES Animal Health

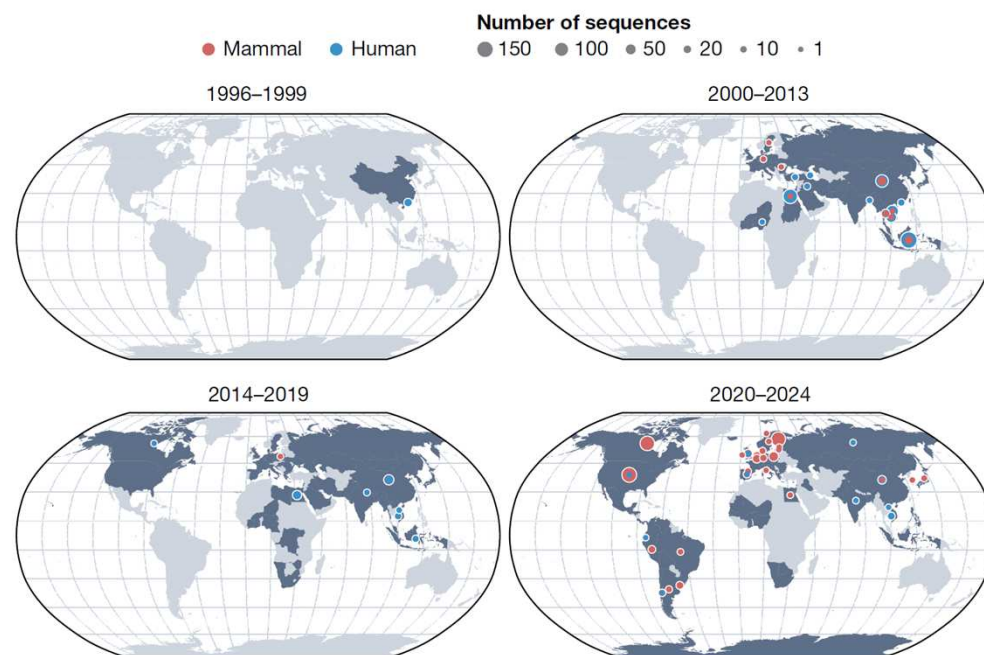
Global AIV with Zoonotic Potential situation update

28 May 2026, 17:00 hours; Rome

Map 1. Global distribution of AIV with zoonotic potential observed since 1 October 2025 (i.e. current wave)



Distribution géographique des virus H5 HP détectés dans l'avifaune & mammifères entre 1996 et 2024



Peacock *et al.*, 2024

Détection de virus influenza aviaires hautement pathogènes en Europe



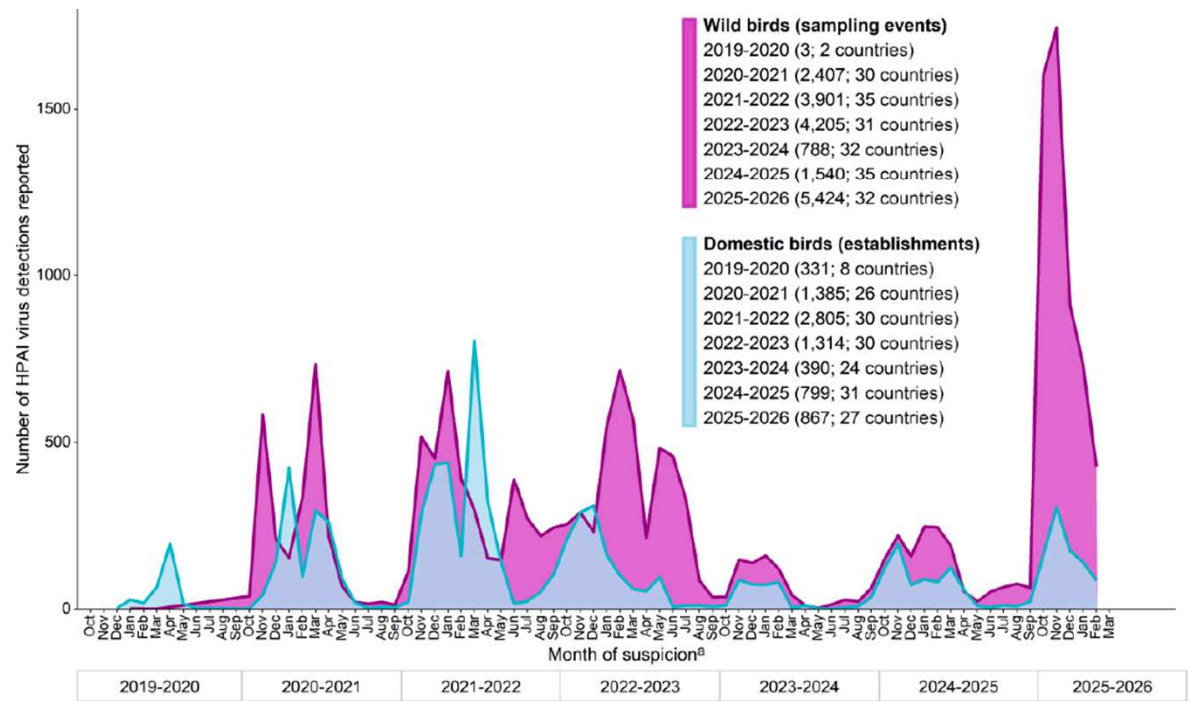
Continent européen massivement touché par la panzootie H5N1 2.3.4.4b depuis 2021-22

Avian influenza overview December 2025–February 2026

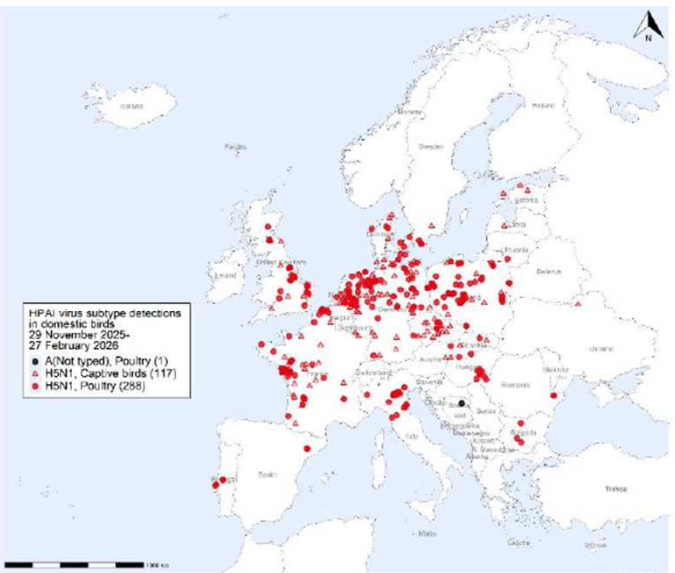
Scientific Report



APPROVED: 11 March 2026
doi: 10.2903/j.efsa.2026.10015

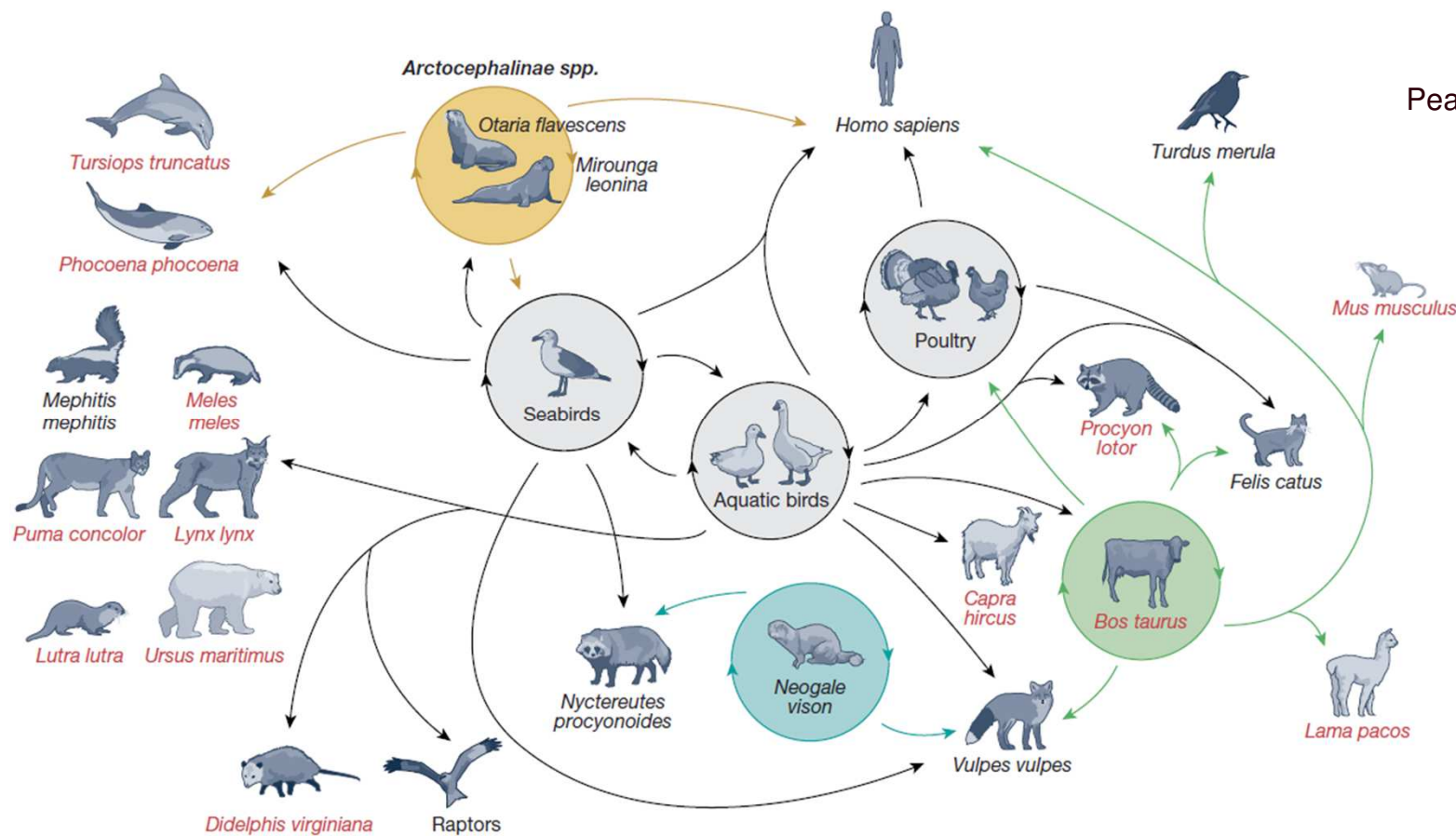


Avian influenza overview
December 2025–February 2026



Une panzootie touchant également les mammifères

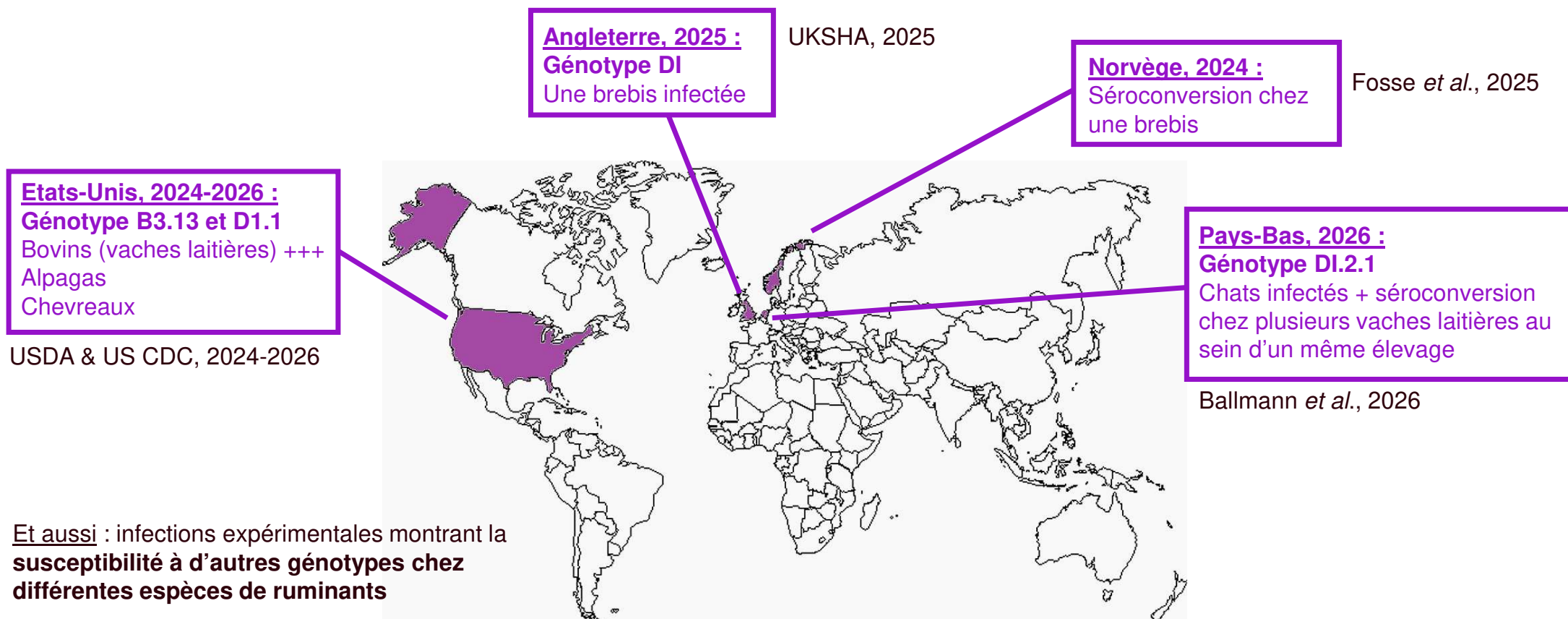
Plus de 70 espèces différentes de mammifères touchés par H5N1 depuis 2021



Peacock et al., 2024

Une panzootie touchant également les mammifères

Multiples détections d'introduction de H5N1 clade 2.3.4.4b chez plusieurs espèces de ruminants depuis 2024



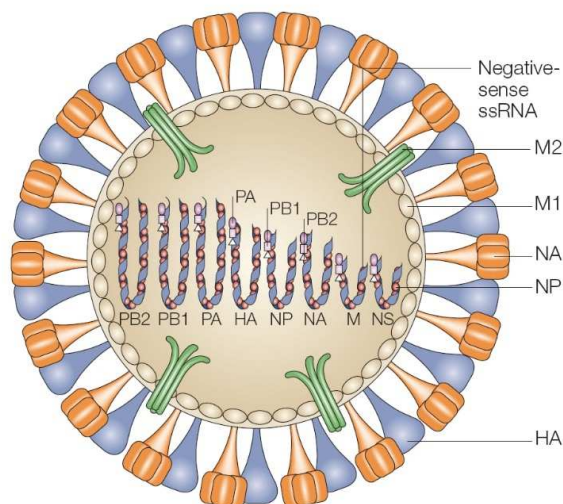
Diversification intense des virus H5N1 de clade 2.3.4.4b

Modalités d'évolution des virus influenza de type A

Virus influenza de type A classés en sous-types en fonction de leurs protéines de surface :

- 18 Hémagglutinines (HA)
- 11 Neuraminidases (NA)

Sous-types H3N2, H1N1, H2N2, H1N2, H5N1, H7N9, etc.



Forte pression de sélection sur le gène HA, qui est hypervariable ► clades & sous-clades

Clades 2.3.4.4b, 2.3.2.1c, etc.

La combinaison des 8 fragments d'ARN qui composent le génome viral définit le génotype

Génotypes AB, BB, DI, B3.13, D1.1, etc.

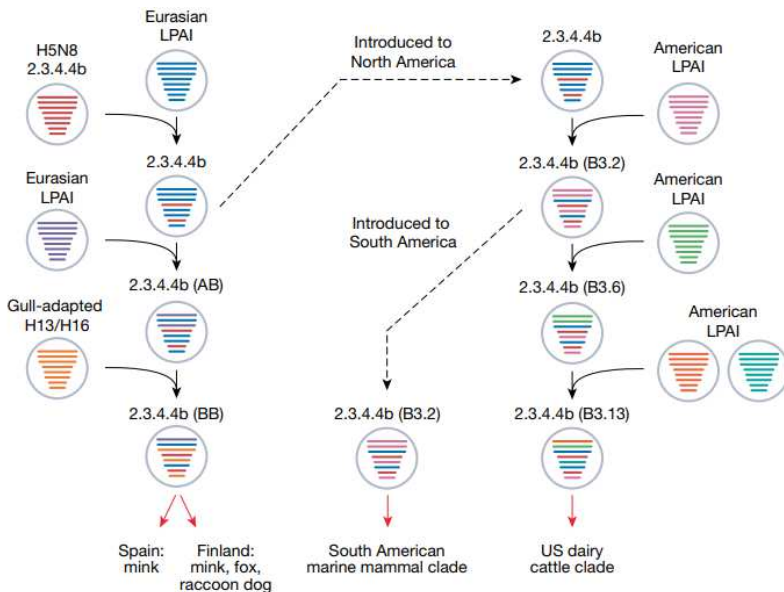
Diversification intense des virus H5N1 de clade 2.3.4.4b

Nombreux réassortiments avec d'autres virus IA, acquisition de mutations

H5N1 Clade 2.3.4.4b



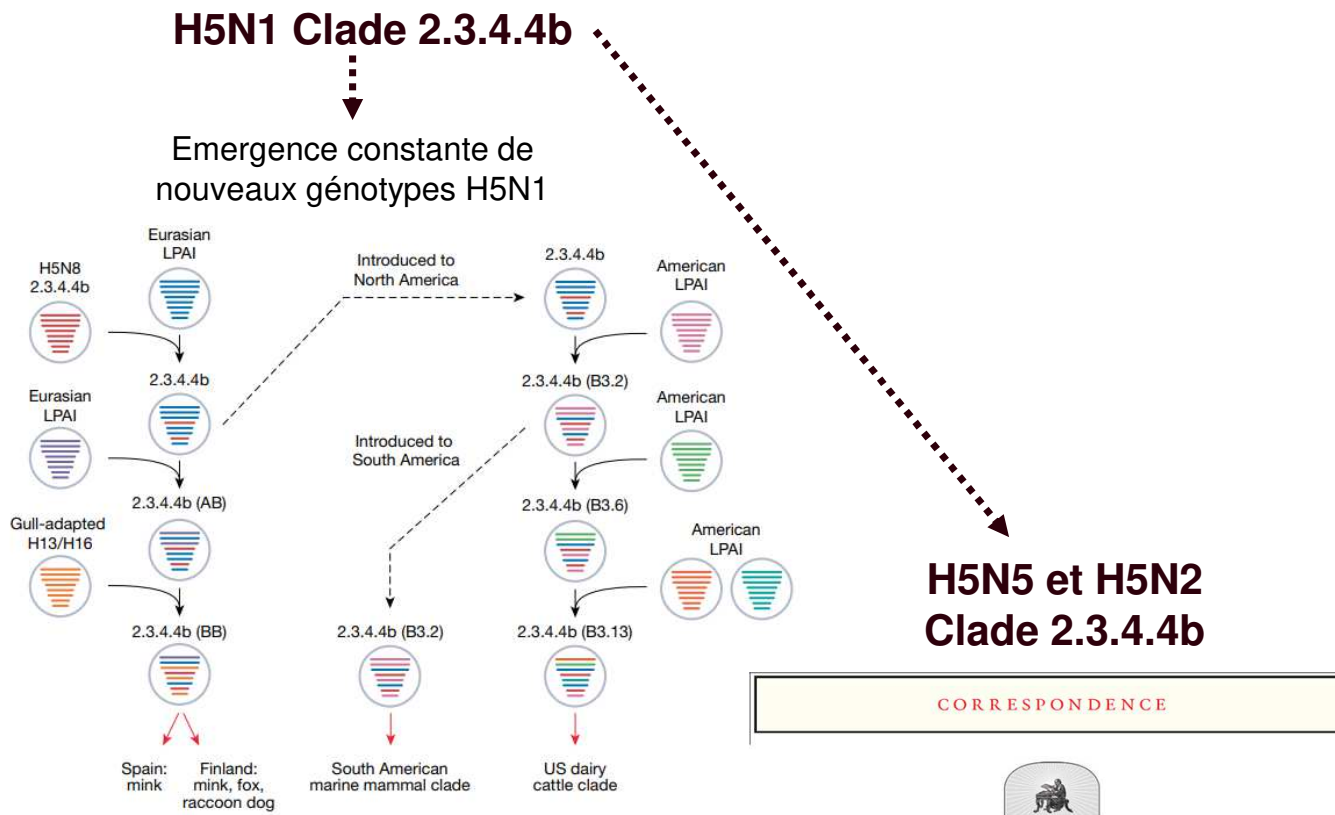
Emergence constante de
nouveaux génotypes H5N1



Peacock *et al.*, 2024

Diversification intense des virus H5N1 de clade 2.3.4.4b

Nombreux réassortiments avec d'autres virus IA et apparition de mutations



Peacock *et al.*, 2024

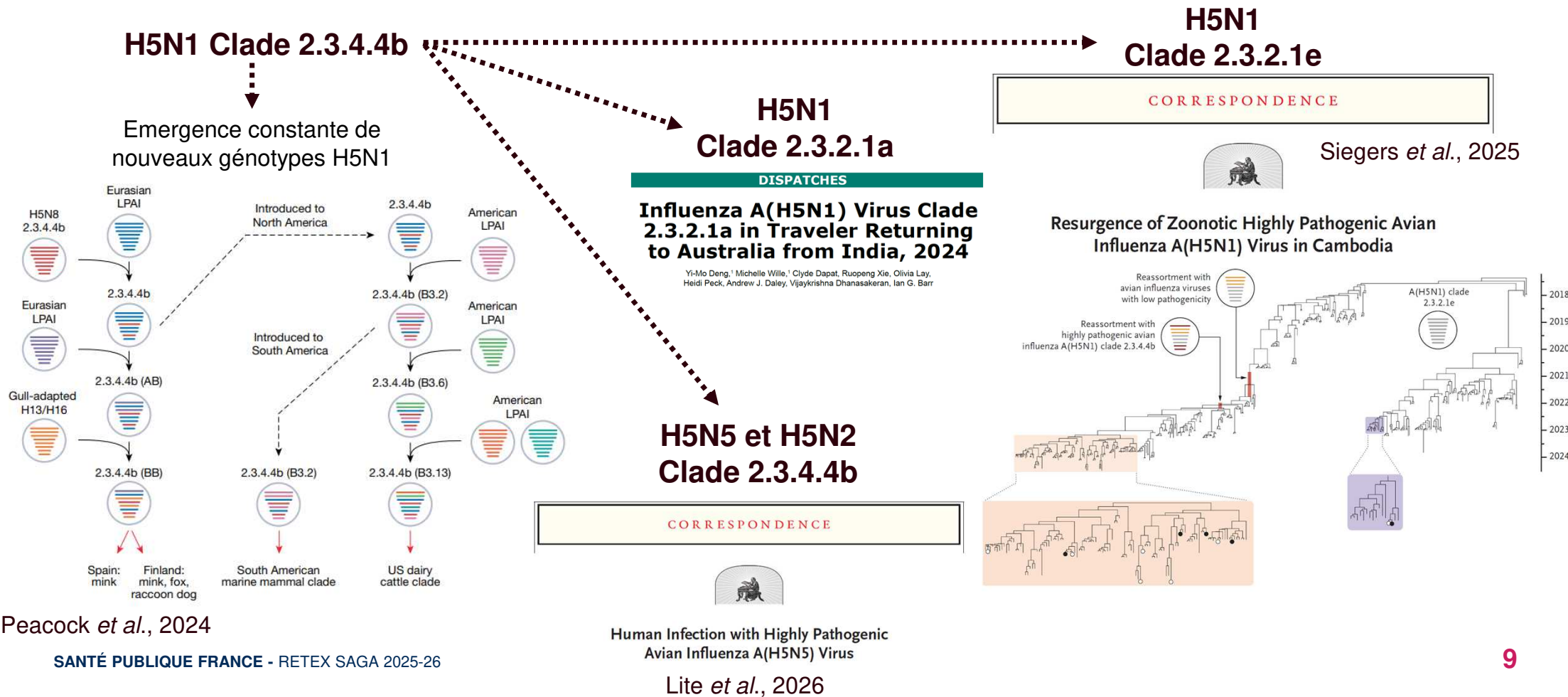
SANTÉ PUBLIQUE FRANCE - RETEX SAGA 2025-26

Human Infection with Highly Pathogenic
Avian Influenza A(H5N5) Virus

Lite *et al.*, 2026

Diversification intense des virus H5N1 de clade 2.3.4.4b

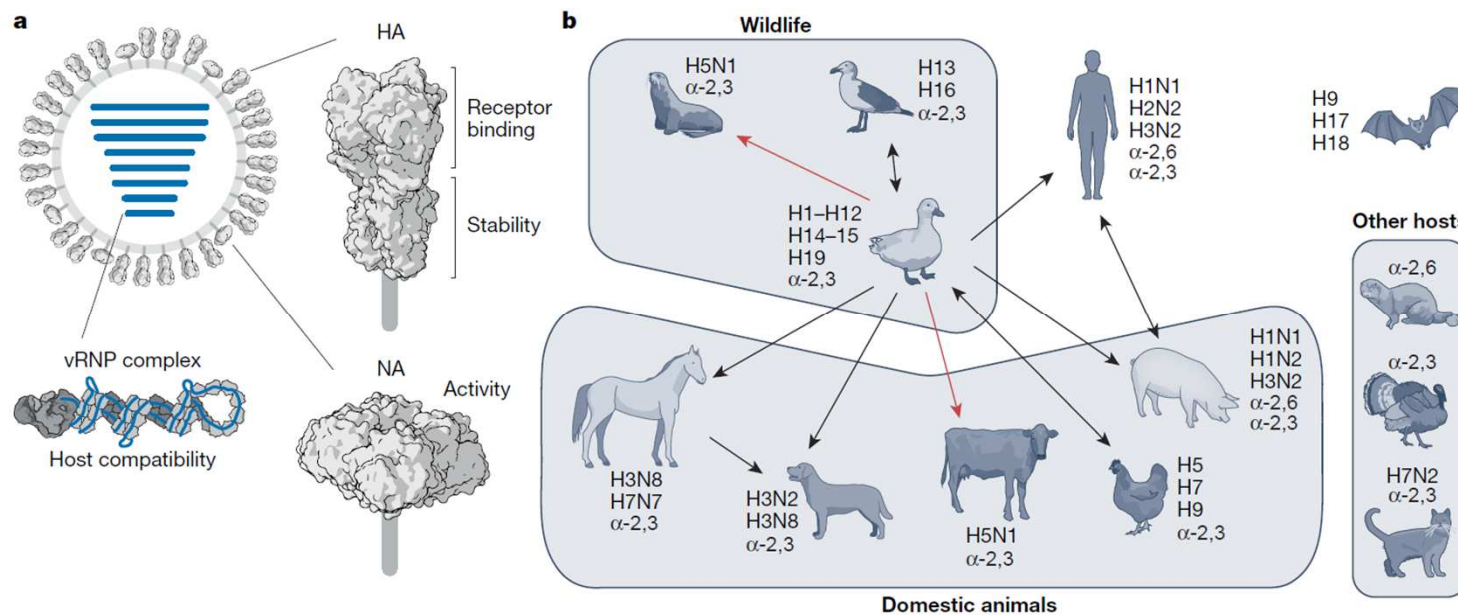
Nombreux réassortiments avec d'autres virus IA et apparition de mutations



Risque accru d'émergence d'un virus mieux adapté à l'être humain

Interface étroite entre certaines espèces de mammifères touchés et l'être humain

- Transmission mammifère – mammifère (vaches laitières, mustélidés, animaux marins)
 - **risque accru d'adaptation virale à l'hôte mammifère**
- Transmission mammifère - être humain (vaches laitières)
 - **risque accru d'adaptation virale à l'être humain**

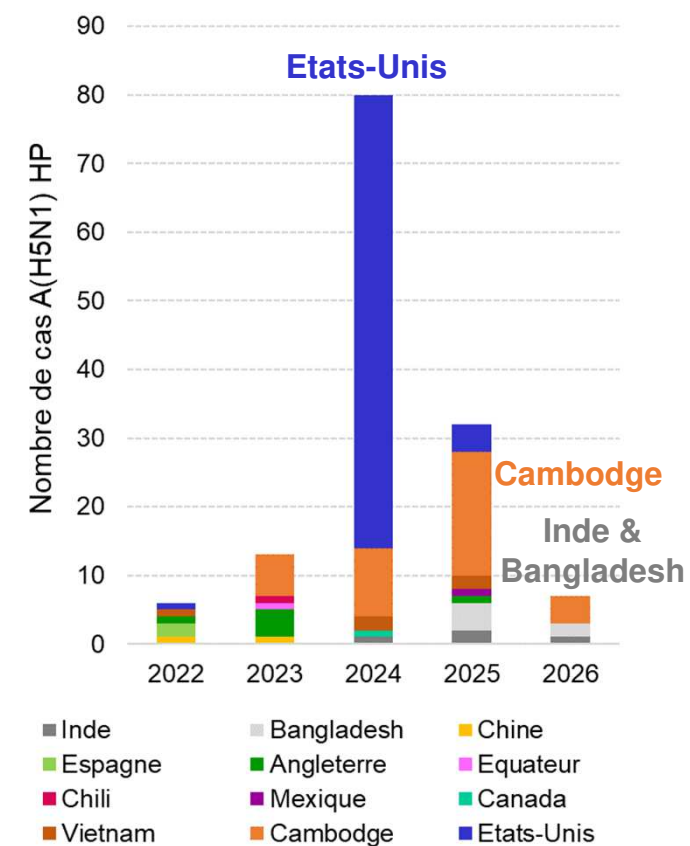
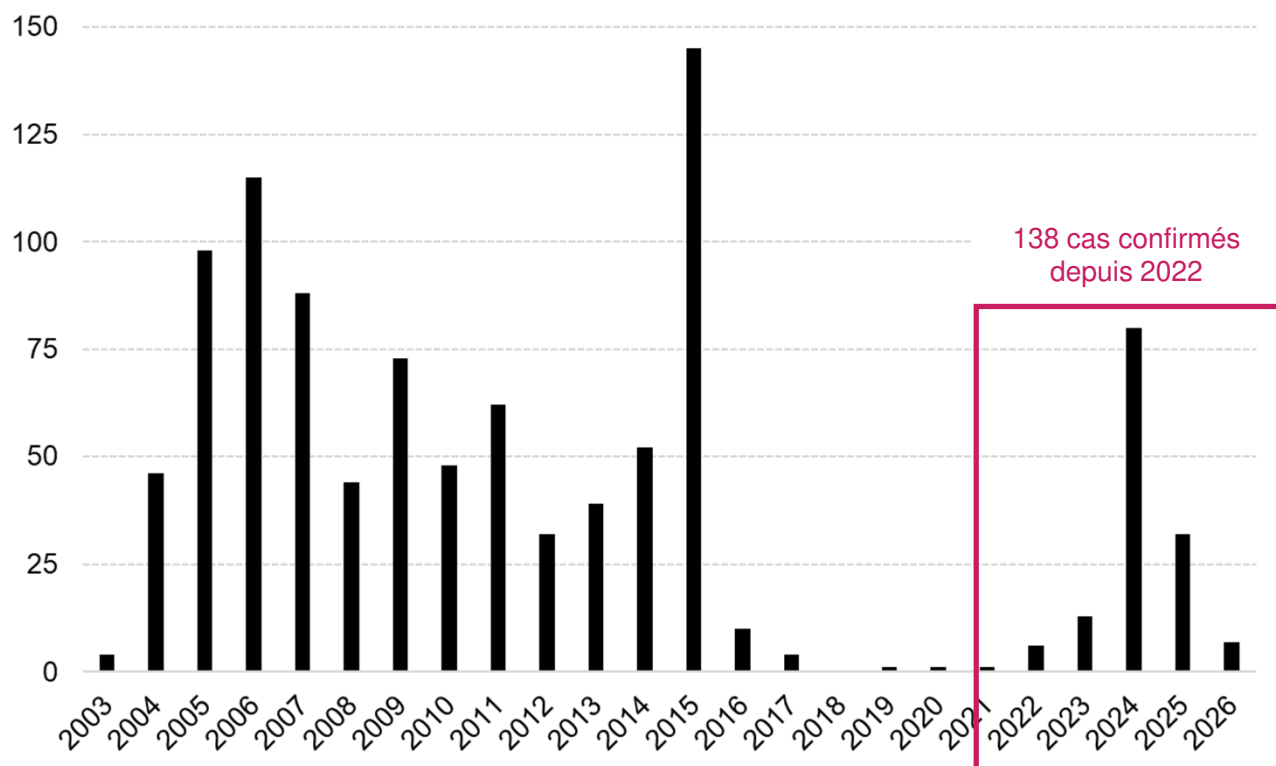


Peacock *et al.*, 2024

Résurgence de cas humains H5N1 depuis 2022 au niveau mondial

Clades concernés : 2.3.4.4b (Amériques, Asie, Europe), 2.3.2.1e (Asie du Sud-Est) et 2.3.2.1a (Inde/Bangladesh)

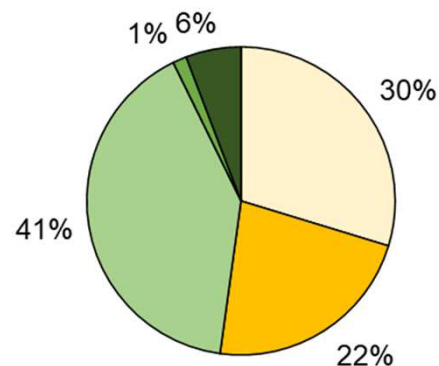
Détections de cas humains H5N1 HP confirmés virologiquement et signalés à l'OMS
(données disponibles au 26/06/2026)



Résurgence de cas humains H5N1 depuis 2022 au niveau mondial

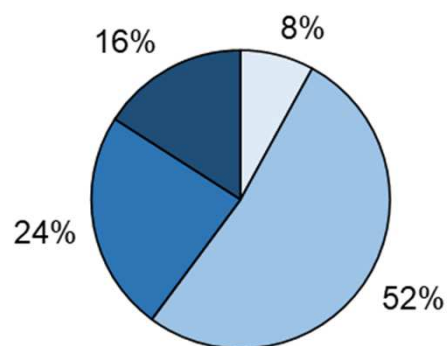
Profil des cas humains H5N1 signalés à l'OMS depuis 2022 (n=138 au 26/06/2026 ; sources : OMS, ECDC)

Source d'exposition identifiée



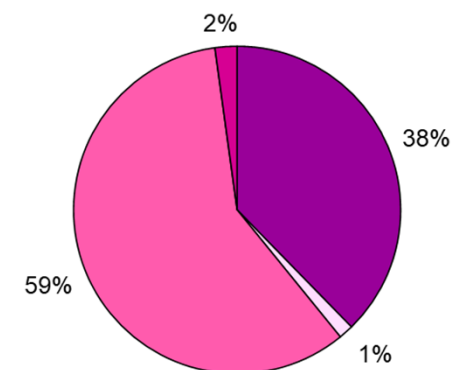
- Elevage de vaches laitières
- Elevage de volailles
- Basse-cour
- Oiseaux sauvages, environnement
- Source inconnue

Type de présentation clinique



- Absence de symptômes
- Forme bénigne
- Forme grave
- Décès

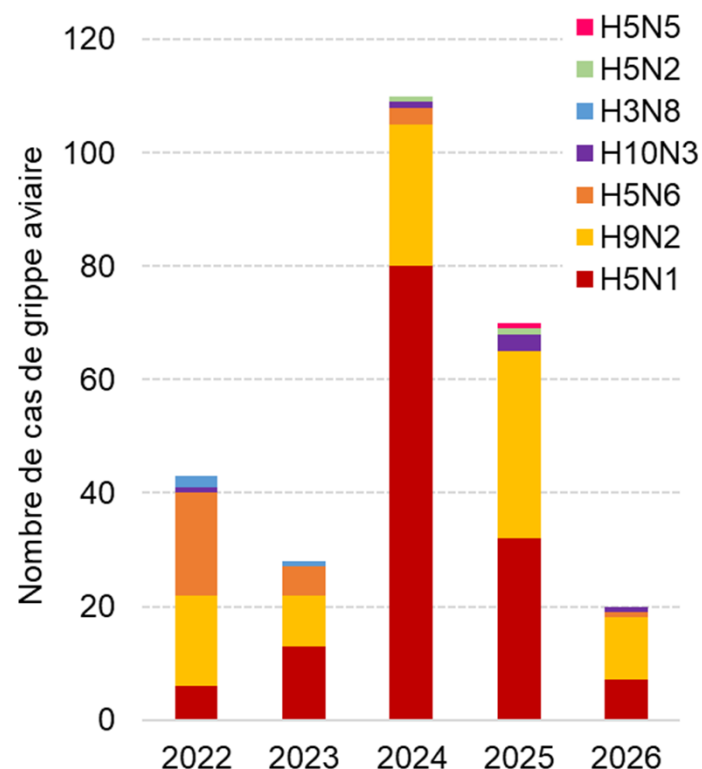
Modalités de détection



- Fortuite à l'hôpital
- Fortuite en ville
- Surveillance active
- Surveillance IRA hospitalière

D'autres virus IA sont responsables d'infections humaines

Détections de cas humains de grippe aviaire
confirmés biologiquement et signalés à l'OMS, par sous-type viral



- **H9N2 FP** : résurgence de cas humains détectés en Chine depuis 2022 + 1 cas signalé par l'Italie mais exposé au Sénégal début 2026 ; **clinique généralement bénigne, détection principalement par la surveillance de la grippe saisonnière**
- **H3N8 et H10N3 FP** : réassortants entre H9N2 et d'autres virus IA, responsables de cas humains sévères détectés fortuitement à l'hôpital
- **Sans oublier l'influenza porcin, régulièrement à l'origine de cas humains !**

► **Ne pas se focaliser uniquement sur H5N1**

Inquiétude croissante au niveau international



Analyses de risque régulièrement mises à jour

Niveau international



Food and Agriculture
Organization of the
United Nations



World Health
Organization



World Organisation
for Animal Health

**Updated joint FAO/WHO/WOAH public health assessment
of recent high pathogenicity avian influenza A(H5) virus
events in animals and people**

Assessment based on data as of 1 March 2026

18 May 2026

Niveau européen

Scientific Report

APPROVED: 11 March 2026
doi: 10.2903/j.efsa.2026.10015



Avian influenza overview
December 2025–February 2026

Niveau national



Influenza aviaire zoonotique

SITUATION ÉPIDÉMIOLOGIQUE
ET RISQUE POUR LA SANTÉ PUBLIQUE
AUX NIVEAUX NATIONAL ET INTERNATIONAL

Actualisation au 10 novembre 2025



Research and analysis

**Technical risk assessment for avian
influenza (human health): influenza A
H5N1 2.3.4.4b**

Updated 25 July 2024



Pandemic Flu

EXPLORE THIS TOPIC

Inquiétude croissante au niveau international



Analyses de risque régulièrement mises à jour

Niveau international



Food and Agriculture
Organization of the
United Nations



World Health
Organization



World Organisation
for Animal Health

Updated joint FAO/WHO/WOAH public health assessment
of recent high pathogenicity avian influenza A(H5) virus
events in animals and people

Assessment based on data as of 1 March 2026

18 May 2026

Scientific Report

APPROVED: 11 March 2026
doi: 10.2903/j.efsa.2026.10015

Avian influenza overview
December 2025–February 2026

Niveau européen



EFSA JOURNAL

Niveau national



Influenza aviaire zoonotique

SITUATION ÉPIDÉMIOLOGIQUE
ET RISQUE POUR LA SANTÉ PUBLIQUE
AUX NIVEAUX NATIONAL ET INTERNATIONAL

Actualisation au 10 novembre 2025



Research and analysis

**Technical risk assessment for avian
influenza (human health): influenza A
H5N1 2.3.4.4b**

Updated 25 July 2024



Pandemic Flu

EXPLORE THIS TOPIC

Results of Influenza Risk Assessment Tool

For Public Health
MAY 2, 2025

Conclusions de ces analyses de risque :

- Cas humains rares et sporadiques
 - Pas de transmission interhumaine
 - Virus influenza aviaires peu adaptés à l'être humain
 - Pas de marqueurs de résistance aux antiviraux
- ▶ **Risque faible pour la population générale**
 - ▶ **Risque faible à modéré pour les personnes exposées**

Inquiétude croissante au niveau international



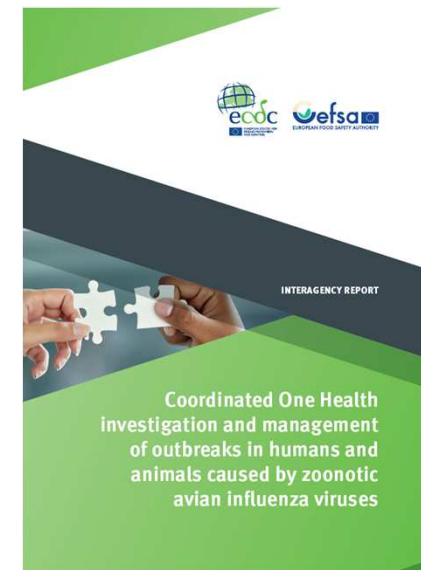
Recommandations internationales de renforcer la prévention et la surveillance à l'interface animal-être humain

Niveau international

Surveillance for human infections with avian influenza A(H5) viruses
objectives, case definitions, testing and reporting



Niveau européen



Inquiétude croissante au niveau international



Recommandations internationales de renforcer la prévention et la surveillance à l'interface animal-être humains

Niveau international

Surveillance for human infections with avian influenza A(H5) viruses
objectives, case definitions, testing and reporting



Niveau européen



Principales recommandations :

- Renforcement de la biosécurité en élevage et des mesures d'hygiène et de prévention chez les personnes directement exposées et les professionnels de santé
- Recensement et suivi actif systématiques de toutes les personnes exposées à un foyer d'IAHP
- Prise en charge médicale adaptée et investigations virologiques et épidémiologiques pour toute personne exposée et symptomatique
- Dépistage des personnes exposées asymptomatiques (selon le niveau de risque et les ressources disponibles)
- Importance de l'approche One Health



Remerciements



DIRECTION DES MALADIES INFECTIEUSES

Anabelle Gilg Soit Ilg
Isabelle Parent du Châtelet
Judith Mueller
Harold Noel et Bruno Coignard

DIRECTION DES REGIONS

Mathilde Pivette
Yvan Souares
Tous les épidémiologistes en région
Ami Yamada et Didier Che

DIRECTION PREVENTION ET PROMOTION DE LA SANTE

Sandrine Randriamampianina

DIRECTION APPUI, TRAITEMENTS ET ANALYSE DE DONNEES

Jérôme Naud

DIRECTION DE LA COMMUNICATION

SANTÉ PUBLIQUE FRANCE - RETEX SAGA 2025-26



ANSES

dont LNR influenza aviaire et influenza porcin

François-Xavier Briand
Eric Niqueux
Béatrice Grasland
Gaëlle Simon
Nicolas Etteradossi
Gilles Salvat

CNR VIRUS DES INFECTIONS RESPIRATOIRES

Alexandre Gaymard
Vanessa Escuret
Maud Bouscambert
Laurence Josset
Antonin Bal
Bruno Lina

Vincent Enouf
Danielle Perez-Bercoff
Frédéric Lemoine
Marie-Anne Rameix-Welti



Mission Coreb

Morgane Mailhe
Xavier Lescure
Romane Pottie
Jean-Marc Chapplain



MSA

Gaëtan Deffontaines



DGS

Bruno Vion
Walid Mokni
Coralie Giese
Alexis Pernin



DGAI

Séverine Rautureau
Nesrine Ben Ahmed
Guillaume Gerbier
Sophie Belichon



Direction Départementale
de la Protection
des Populations



OFB

Loïc Palumbo
Anouk Decors
Anne van de Wiele
Stéphanie Desvaux